

بسم الله الرحمن الرحيم



مرکز بین المللی علوم و تکنولوژی
پیشرفت و علوم محیطی



چهارمین همایش ملی بیوتکنولوژی
جمهوری اسلامی ایران

چهارمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران

۱۲۸۴ الی ۱۲۸۶ مرداد ماه سال

گواهی می شود جناب آقای مسعود طالب خان گروسو

در چهارمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران که در مرکز
بین المللی علوم و تکنولوژی پیشرفت و علوم محیطی در کرمان-ماهان
برگزار گردید، با ارائه مقاله به صورت پوستر تحت عنوان: «بررسی مقدماتی
وضعیت آنودگی گله های گاوهاشای شیری به ویروس BVD در نمونه های شیر
مخازن (Bulk Milk Samples) با استفاده از روش Nested RT- PCR» شرکت
داشته اند. موفقیت روزافزون ایشان را در عرصه های علمی تحقیقاتی از درگاه
خداآوند متعال خواستاریم.

با تشکر و آرزوی توفيق الهي



محمد میرزاei

دبیر چهارمین همایش ملی بیوتکنولوژی
جمهوری اسلامی ایران و رئیس مرکز



بررسی مقداری و وضعیت الودگی گله های گاو های شیری به ویروس BVD در نمونه های شیر مخازن Nested RT- PCR (Bulk Milk Samples)

*مسعود هنفی خان گروس، **محمد رضا پاسامی و احسان ا... اثرا و صفوی*

گفته شد، جنگ اسلامی، حرب مرتکب و کاربرد مکری داشتگار فرسوس مشهود است. همچنان که در مقاله مذکور شده، جنگ اسلامی، حرب مرتکب و کاربرد مکری داشتگار فرسوس مشهود است. همچنان که در مقاله مذکور شده،

www.scholarone.com/journals/E-mail

Abstract

Bovine viral diarrhoea virus (BVDV), a member of the Pestivirus genus, is an important pathogen of dairy cattle which can cause several clinical syndromes ranging from subclinical to sever disease such as early embryonic death, abortion, congenital defect or the birth of persistently infected (PI) calves which are immunotolerant to the agent. The objective of the present pilot study was to detect the presence of BVD virus in somatic cells from bulk milk samples by the use of a nested RT-PCR as a screening test.

In total, the bulk milk of 18 dairy cattle herds in Mashhad suburb of Iran, covering 4105 milking cows were tested for BVD virus presence. None of the herds had been vaccinated against BVDV. RNA was extracted from somatic cells of bulk tank milk samples. Oligonucleotide primers were selected based on the 5' untranslated region BVD virus genome. BVD virus was detected in 2 (1.1%) out of 18 individual herds representing 742 million cm³.

According to the high sensitivity and specificity of nested RT-PCR test, it is concluded that this invaluable procedure is less complicated and cost effective for detection of BVD virus as a reliable screening test in dairy cattle herds. This study revealed that, at least 1.1% of bulk milk samples were BVDV positive, indicating the presence of PB milking cows in dairy cattle herds in Mashhad sub-city of Iran.

Keywords: BVDV, Nested RT-PCR, Bulk milk

455

ویروس BVD RNA یک ویروس منعکس به جنس Flavivirus و از خانواده Pestivirus است. Flaviviridae فرستاده این ویروس باشد. بروز خصوصیات اقتصادی منطقی در منعت دامپروری سبایری از نطاقد نباشی می گردد. خصوصیات ناشی از ابتلاء به این بیماری شامل: اختلالات تولید ملکی، شایاروری، مرگ زوردها، سقط، تاهنجار پهی مادر زایی، تخلک و در نهایت حفظ زوردها زاده های مبتلا هستند. مهمترین ملبع نفع و اللشتر ویروس دامهایی با عنوان پایدار (PI) (Persistence) می باشد. زاده هایی مبتلا هستند که در دوران قبل از روز ۱۲۵ چشمی، یعنی قبل از تکامل سیستم ایمنی بیماری بروز BVD آنرا شده و نسبت به این ویروس بازی تحمل اینها هستند (Smith. B. P., 2002). باز این زاده هایی دامپروری در گله ها، مهمترین قدم در چیز مقلابی با این بیماری است. لذا به مطلع شناسایی حضور اینگونه زاده های را سطح غربنوردی و الجم بیک تست غربنوردی (Screening test) معترض، ضروری است. هدف از انجام این تحقیق، بررسی اینگویی و مستجوی ویروس BVD با استفاده از از منون Nested RT- PCR در شیر مخلان گله های ایست.

اد و روش کار

در این بررسی از شیر مخلان ۱۸ گله گلار شیری برای تراز هشتگان اطراف مشهد بطور تصادفی، نمونه برداری شد. تعداد دامهای دوشـا گلهـه هـای تحـت بررسـی بـین ۳۶۰ الـی ۶۸۰ رـامـلـونـدـ، مـحـمـعـاـ ۵۰۰ رـامـلـونـدـ، مـحـمـعـیـ دـوـشـاـ بهـ مـنـظـرـ تعـیـینـ حـضـورـ وـ زـیـوـنـ BVD مـوـرـدـ بـرـرـسـ قـرـارـ گـرـفـتـ درـ اـینـ بـرـرـسـ گـهـهـ هـاـ اـنـظـرـ جـمـعـیـتـ بـهـ ۴ گـروـهـ گـهـهـ هـایـ کـوـچـکـ باـ جـمـعـیـتـ ۲۰۰ رـامـلـونـدـ، گـاهـهـ هـایـ مـتوـسـطـاـ جـمـعـیـتـ ۱۰۰ رـامـلـونـدـ وـ گـهـهـ هـایـ بـزرـگـ باـ جـمـعـیـتـ بـیـشـ اـزـ ۵۰ رـامـلـونـدـ دـوـشـاـ تـقـیـمـ شـدـنـ جـمـعـیـ دـامـهـایـ بـوـشـانـدـ ۸ گـلهـهـ کـوـچـکـ ۵۷۴ رـامـلـونـدـ، ۴ گـلهـهـ مـتوـسـطـ ۶۲۸ رـامـلـونـدـ وـ ۲ گـلهـهـ بـزرـگـ ۴۹۳ رـامـلـونـدـ. حـجمـ شـیرـ هـایـ نـمـوـنـهـ بـرـدـارـیـ شـدـهـ هـرـ دـامـپـرـورـیـ، خـنـدـوـنـ طـبـیـعـیـ بـرـدـارـیـ بـودـ ظـرـوفـ استـرـیـ نـمـوـنـهـ بـرـدـارـیـ نـرـ کـلـارـ بـخـلـانـ ۱۸ گـلهـهـ کـوـچـکـ دـالـشـکـیـ دـالـشـکـیـ فـرـدـسـیـ مـشـهـدـ مـنـقـلـ گـردـیدـ سـلـالـهـایـ سـلـالـهـایـ شـیرـ درـ عـسـتـگـهـ سـلـالـهـایـ بـرـرـسـ پـیـخـدـلـارـ درـ سـنـیـ ۴۰ مـاـنـیـ ۱۵ نـقـفـیـ جـداـ گـرـبـدـ. منـ اـنـسـخـارـ RNA تـامـ بـهـ سـلـالـهـایـ RNAـ مـوـرـدـ بـرـرـسـ کـهـهـ هـایـ بـرـدـارـیـ شـدـنـ اـنـسـخـارـ شـدـنـ نـمـوـنـهـ هـایـ شـیرـ بـهـ مـنـظـرـ اـرـزـبـانـیـ گـرفـتـ وـ کـهـتـ RNAـ مـوـرـدـ بـرـرـسـ کـهـهـ هـایـ بـرـدـارـیـ شـدـنـ بـرـ روـ زـلـ اـنـکـرـوـزـ، اـنـکـرـوـزـ وـ بـرـ مـیـنـ درـ زـیرـ اـشـعـهـ UV مـوـرـدـ بـرـرـسـ قـرـارـ گـرـفـتـ کـهـهـ هـایـ مـوـرـهـ مـشـهـدـ دـارـ اـیـ خـصـوصـیـاتـ بـکـمـرـنـ Total RNA مـطـلـوبـ بـودـنـدـ کـهـهـ نـمـایـلـاـنـگـ بـکـلـهـ چـلـیـ وـ خـلـاطـتـ مـنـابـعـ RNAـ بـودـ. نـمـوـنـهـ هـایـ کـهـتـ طـوـلـیـ مـوـبـیـ NADLـ وـ اـرـوـسـ BVDـ بـهـ عـلـوـنـ کـنـترـلـ بـیـشـ مـوـرـدـ استـنـادـهـ قـرـارـ گـرفـتـ بـینـ

و رونوشت برداری مغکون، محصولات cDNA حاصله به ترتیب چهت تاجام PCR و Nested-PCR پرتوسین گردیدند. محصولات تکنر شده نهایی Nested-PCR از نظر حضور یک باند ۱۵۸ قسمته ای با استقده از آگاروزر لکتروفورز ارزیابی گردیدند.

1200 6

سنجاق و بخت
در این مطالعه مشخص گردیده که ویرودن BVD در ۱۱٪ (۲۶ گله از ۲۳۰ گله) تحت بررسی، حضور دارد. یکی از گله های این بخش غریب روند گروه گله های کوچک با ۶۲ راس گو توشا و نیگری در دسته گله های بزرگ با ۶۸ راس دام توشا بودند (جدول شماره یک).

از بین ۴۱۰۵ رام دوشاخت بررسی، تعداد ۳۲۹۶ رام در ۱۶ ناحیه اوری صنعتی، شرق و پرورمن BVD قشت جستجو گردیده طبقه در بین ۷۴۲ رام دوشادر ۲ گله مشتث، به ازاء هر گله حداقل یک دام نوسا با الونگی پیدار (PI) وجود دارد.

در گذشته، شناختی دامها PI از انسان آزمیشات جاذب‌سازی ویروس، در دام‌الوته (پسروت‌لفرادی) برین جمعیت دامی گله بوتکه در سیبری از موارد، بهره‌اه از میثاشت مرلولوژک الجام می‌شود. وجود اینش بدلی هند BVDV درین جمعیت گله‌هه، الزاماً به معنی حضور دام PI نمی‌باشد زیرا اینش بدلی صد ویروس BVD حتی پس از گذشت سالها از حفظ دامها PI در سطح گلابی می‌باشد (Sandvik T. 1999).

نکت RT-PCR از مزون حلقه و بیره ای در مورد غربالگری نمونه های شر تانکر های دامبرورها از نظر شناسایی و تعیین حضور ویروس BVD است. در این راسته نکت RT-PCR در شناسایی ویروس BVD در بالنهای و کشت سلولی نیز مورد استفاده قرار می گیرد. اخیراً از این نکت به منظور جستجوی ویروس و شناسایی دام (های) PI یا اسلنده از شر

مخازن جمع آوری شده استفاده می شود. T. Drew, G. K. Dubovi E. J. و Sung. G. K. BVD در مکران ۱۹۹۶ و همکاران ۲۰۰۳ مخازن جمع آوری شده استفاده می شود. Nested RT-PCR به روش BVD در تعداد های شیر گلکه های دامپروریها، خدیو خوبی برای اثبات وجود بیرونی و بیرونی است. نتایج مذکور مبتداً می توانند ترتیب میزبانی بینهای و قویتری از در شناسایی آزاده ای از همچنانکه بیشتر در بین گله های سنتی و سنتی است تا درین ترتیب میزبانی بینهای و قویتری از در شناسایی آزاده ای در نهایت مبایزه بر علیه این بیماری ممکن که باعث بروز خسارات افتراضی زیادی میگردد. اصلی گردید.

نتایج حاصله از این مطالعه نشانگر حضور حدی و معنی در گلکه های PI در گله های گلکه های شیری امراض مشهد می باشد. احتمال این است که Nested RT-PCR (غربالگری) جهت بروزی صفات یورورش گلکوکنکور از نظر حضور گلکه های PI بعنوان سهمنترین نشانگر تنشیت بیماری تووصه می شود.

جنوپ شماره یاک: توزیع میزان الودگی به ویروس BVD در نمونه های مخازن شیر بر اساس ازمن
Neasted RT-PCR

جمع	جمعیت گله (زایل)			حضور و غیرونه BVD
	>۲۰۰ (%)	۲۰۰-۱۰۰ (%)	۱۰۰-۷۵ (%)	
+	۱ (۱۷/۱)	-	- (۱۳/۰)	+
-	۹ (۸۷/۸۷)	۴ (۹/۱+۱)	۷ (۸/۰)	-
%	۶۷	۴۱	۵۳	۷۷

References:

- Drew, T. W., Yapp, F., and Paton, J. D. (1999) The detection of bovine viral diarrhoea virus in bulk milk samples by the use of a single-tube RT-PCR. *Veterinary Microbiology*, Vol. 64, No: 2-3, P: 145-154.
 - Sandvik T. (1999). Laboratory diagnostic investigation for bovine viral diarrhoea virus infections in cattle. *Veterinary Microbiology*, 64, 2-3; P: 123-134.
 - Smith, B. P., (2002). Large animal internal medicine. The 3rd edition. Mosby, P: 707-714.
 - Sung, G. K. and Dubovi E. J. (2003). A novel simple one-step single-tube RT-duplex PCR method with an internal control for detection of bovine viral diarrhoea virus in bulk milk, blood, and follicular fluid samples. *Biologicals*, 31, 2; P: 103-106.

