**۷۰**  **هجدهمين کنگره گياهپزشکی ايران، ۶- ۳ شهريور ۱۳۸۷**

**مقايسه ی جمعيت های *Thrips tabaci* Lind. (Thys.: Thripidae) جمع آوری شده از روی توتون و پياز بر اســاس ژن ميتوکندريايی سيتوکروم اکسيداز، زير واحد ۱ (CoI) در ايران**

**ليدا فکرت**۱، **شهاب منظری۲، پرويز شيشه‏بر۱ و ابراهيم سليمان‏نژاديان۱**

*۱- گروه گياهپزشکی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهيد چمران اهواز ۲- مؤسسه تحقيقات گياهپزشکی کشور، بخش تحقيقات رده‏بندی حشرات، صندوق پستی ۱۹۳۹۵، تهران*

 تريپس پياز.*Thrips tabaci* Lind ، آفتی است با گستره ی انتشار و دامنه ميزبانی وسيع كه به گونه های زيادی از محصولات زراعی خسارت می‏زند. به منظور بررسی تنوع ژنتيكی درون گونه ای اين آفت در ايران، ۲۲ جمعيت از روی توتون (۴ جمعيت) و پياز (۱۸ جمعيت) در ۱۷ استان جمع آوری شد. DNA ژنومی از هر فرد ماده با استفاده از DNeasy Tissue and Blood Kit (Quiagene) و با خراش دادن و قرار دادن نمونه در طول شب در دمای ۵۶ درجه سانتی گراد در داخل Proteinase K ، در ۳۰ ميكروليتر آب دو بار تقطير و استريليزه شده استخراج گرديد. واكنش های PCR با استفاده از ترموسايكلر Primus- 25 و در حجم ۲۵ ميكروليتر انجام و ژن ميتوكندريابی سيتوكروم اكسيداز، زيرواحد 1 (COI) با استفاده از پرايمرهای CI-J-1751 و CI – N -2191 تكثير شد، و توالی‏های بدست آمده مورد تجزيه و تحليل قرار گرفت. آناليز حداكثر پارسيمونی (maximum parsimony) با استفاده از نرم افزار كامپيوتری PAUP\*4.b10 انجام شد. مشخصات تبارنمای حاصل (most – parsimonious) به شرح زير بود: ۱۶۸ = طـول، ۹۱۲۹/۰ =RI و ۸۶۳۱ /۰= CI ، اين تبارنما نشانگر دو گروه بود: يك گروه مربوط به تريپس های جمع آوری شده از رو توتون (گروه تك نيا) و گروه ديگر مربوط به آنهايی بود كه از روی پياز جمع آوری شده بودند؛ با اين استناء كه يكی از جمعيت‏های جمع‏آوری شده از روی توتون (جمعيت گلستان) با جمعيت های مربوط به پياز هم گروه بود. مقادير bootstrap برای اين دو گروه به ترتيب ۱۰۰ و ۹۱ درصد محاسبه شد. نتايج حاصل می‏تواند بيانگر هتروژن بودن تريپس پياز و وجودحداقل دو بيوتيپ روی ميزبان‏های مذكور باشد.