

شماره:
تاریخ:

بیست و یکمین کنگره ملی علوم و صنایع غذایی ایران

۱۳۹۲ آبان ۹ تا ۷

21st National Congress of Food Science and Technology
29 - 31 Oct 2013



بسم الله الرحمن الرحيم

پژوهشگر محترم د. مرکان یزدی، سعدی‌اورمنش، مجتبی مجیدی، مصطفی‌بهری‌نی، دینا شرام پور،

به پاس ارزش پوستر تحقیق عوان «بررسی حضور باکتریوفاژ Male specific(F⁺)RNA به عنوان یابنده‌ای از ویروس‌های روده‌ای» با استفاده از روش‌های مولکولی و مبتنی بر کشت از طلح نمونه‌های کاهی

دیست و یکین گنگره ملی علوم و صنایع غذایی ایران که در تاریخ ۹-آبان-۱۳۹۲ ماه در دانشگاه شیراز برگزار گردید از شما متشکر و قدردانی نموده و امید است حضور شما کاملاً بندی در عرصه های نوآوری، شکوفایی و پیشرفت کشور عزیزان ایران اسلامی باشد.



دیران اجرایی

دکتر محمد‌نادی اسكندری دکتر مرداد آذیناکوثری



دیر علیی
دکتر عسکر فرخانی



بررسی حضور باکتریوفاژ Male specific(F⁺)RNA به عنوان نماینده ای از ویروس های روده ای، با استفاده از روش های مولکولی و مبتنی بر کشت، از سطح نمونه های کاهو

مژگان بزدی^{۱*}، مسعود یاورمنش^۲، محبت محبی^۳، معصومه بحرینی^۴، دینا شهرام پور^۱

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد علوم و صنایع غذایی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد

۲- استادیار گروه علوم و صنایع غذایی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد

۳- دانشیار گروه علوم و صنایع غذایی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد

۴- استادیار گروه زیست شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه فردوسی مشهد

yazdi.mojgan@yahoo.com

چکیده

در این پژوهش تعداد ۱۵ نمونه کاهو از بازارهای محلی مختلف جمع آوری و جهت شناسایی حضور باکتریوفاژهای Male specific(F⁺)RNA بر سطح نمونه های کاهو، به وسیله دو روش مبتنی بر کشت (آزمون پلاک) و تکنیک RT-PCR آنالیز شدند. هر دو روش RT-PCR و کشت حضور باکتریوفاژها را بر سطح ۵ نمونه کاهو تایید کردند. در مقابل هیچ یک از این دو روش وجود باکتریوفاژها را در ۷ نمونه شناسایی نکردند. یک نمونه در آزمون پلاک منفی در حالی در روش RT-PCR مثبت شناسایی شد. دو نمونه در آزمون پلاک مثبت و در مقابل در روش RT-PCR منفی در نظر گرفته شدند. اختلاف در نتایج ممکن است ناشی از حساسیت، اختصاصیت و یا بازدارندگی در نمونه های کاهو باشد.

واژه های کلیدی: کاهو، باکتریوفاژ، Male specific(F⁺)RNA

مقدمه

در گذشته، قبل از اینکه روش های مولکولی به طور رایج استفاده شوند، شناسایی ویروس های روده ای بر پایه تلقیح مناسب عصاره ماده غذایی به درون کشت های سلولی بوده است. در حالی که جداسازی و شناسایی ویروس های روده ای از طریق کشت سلول آزمایشگاهی زمان بر بوده و همچنین فقد حساسیت و اختصاصیت کافی جهت شناسایی کامل ویروس ها می باشد، علاوه بر این ویروس های روده ای نمی توانند در کشت سلولی تکثیر شوند و تشخیص آن ها با استفاده از روش های مولکولی صورت می گیرد. (کروکی، ۲۰۰۸، دور و همکاران، ۲۰۰۰).

سبزی ها از جمله سبزی های سالاد از منابع اصلی عفونت های ویروسی در کشور های مختلف می باشند. با توجه به دوره رشد نسبتاً کوتاه این محصولات و مصرف خام آنها، این محصولات از لحاظ اینمی پر خطر در نظر گرفته شده اند. در میان سبزی های سالاد، کاهو به سبب داشتن سطح پهنه برگ و تماس مستقیم با کود به شدت در معرض آلودگی مدفعی قرار می گیرد (وارد و همکاران ۱۹۸۲).

تحقیقات کمی بر روی میوه ها و سبزی های خام به منظور بررسی حضور ویروس ها یا انگل های سطح آن ها به دلیل فقدان روش های حساس در مواد گیاهی، صورت گرفته است. (هدیرگ و همکاران ۱۹۹۴).

دادیس و همکاران (۲۰۰۲) روش ته نشینی پلی اتیلن گلایکول را به منظور شناسایی موثر ویروس های تلقیح شده HAV,PV,NLV با غلظت مشخص، از سطح سبزی های تازه و توت های منجمد بوسیله RT-PCR و کشت سلولی با اصلاحاتی شامل بهینه سازی بافر شستشو، بهبود حذف بازدارنده ها به وسیله کلروفورم/ بوتانول، افزایش زمان سانتریفوژ و انتخاب spin-column جهت ایزوله RNA مورد استفاده قرار داد. درصد بازیافت RNA ویروسی بوسیله RT-PCR برای HAV,NLV,PV به ترتیب ۱۳٪، ۱۷٪، ۱۰۰٪، ۴۵٪-۴۵٪ حاصل شد. نتایج نشان داد، اصلاح این روش حساسیت RT-PCR را تقریباً log ۱ افزایش داده است.

شهر و همکاران (۲۰۱۰) به منظور شناسایی NV تلقیحی با غلظت مشخص، به بررسی دو روش استخراج ویروس: ته نشینی پلی اتیلن گلایکول و اولترافیلتراسیون بر روی ۲۱ ماده غذایی (کاهو، تمشک، همیرگر) مکمل با تکنیک real time RT-PCR، پرداختند. فاژ MS₂ به عنوان کنترل فرایند به منظور ارائه کارایی روش موردنمود آزمون به کار گرفته شد. میانگین بازیافت روش PEG برای کاهو، تمشک و همیرگر به ترتیب ۷٪، ۲۳٪ و ۲۴٪ و در روش اولترافیلتراسیون ۹٪، ۷٪ و ۳٪ بود.

سانچز و همکاران (۲۰۱۲) روشی را به منظور افزایش سرعت بازیافت و تغییل MNV (جایگزین نوروویروس) تلقیح شده به ترتیب با غلظت های 1.3×10^4 PCRU و 1.5×10^4 TCID₅₀ و 5.6×10^4 بر سطح مصوالت تازه برش خرد (جعفری، اسفناج و سبزی های سالاد) توسعه دادند. در این روش از BPW و PEG به عنوان بافر شستشو و ماده تغییل کننده به ترتیب استفاده شد. شناسایی کمی به وسیله روش q-PCR و کشت سلولی برای NV و HAV، NV و MNV برای MNV، NV به ترتیب انجام شد. میانگین بازیافت از سطح جعفری، اسفناج و سالاد، ۴۳٪/۵٪، ۹٪/۲۰٪ و ۷٪/۲۳٪ به ترتیب برای NV به ازای ۱۰ گرم از محصول بود.

بر اساس نظر سازمان جهانی بهداشت در سال ۲۰۰۸ حداقل دز لازم برای ایجاد عفونت توسط ویروس های روده ای انسان ۱۰۰ units می باشد. لذا بدليل دز پایین عفونت زایی ویروس های روده ای و همچنین انتقال ویروس های روده ای بر سطوح غذا نقش محصولات غذایی عنوان یک حامل در انتقال این ویروس ها دارای اهمیت می باشد (امیتی، ۱۹۹۲).

دسته ای از باکتریوفاژ ها ارتباط نزدیکی با انتروویروس ها و روتا ویروس ها داشته و پایداری آنها مشابه ویروس های روده ای در آب دریا و صدف های خوراکی به اثبات رسیده است. بر مبنای آلدگی از طریق پیلی جنسی و یا دیواره سلولی میزبان، کلی فاژها می توانند به ترتیب به دو دسته کلی فاژهای Male specific F+ و سوماتیک طبقه بندی شوند. اما کلی F-RNA^{MS2} یکی از اعضای اصلی سروتیپ نوع یک می باشد که به دلیل شباهت بسیار زیاد به ویروس های روده ای انسان به لحاظ ساختار فیزیکی، ترکیب و ریخت شناسی به صورت ویژه به عنوان شاخص با مدل برای این ویروس ها به کار می رود و بیشترین کاربرد را در مدل سازی دارد(گرابوو و همکاران، ۱۹۹۸). هدف از این پژوهش، شناسایی باکتریوفاژهای Male specific F⁺ RNA به عنوان نماینده ویروس های روده ای، با استفاده از تکنیک های مبتنی بر کشت و مولکولی (RT-PCR) از سطح نمونه های کاهو، می باشد.

مواد و روش ها

در این پژوهش در فصل تولید کاهو (بهار و تابستان) تعداد ۱۵ نمونه کاهو از بازار محلی تهیه و در بسته های پلاستیکی استریل، با حفظ زنجیره سرما تا زمان انجام آزمایش در دمای ۴°C در یخچال نگهداری شدند.

روش ته نشینی پلی اتیلن گلایکول

مراحل این روش به صورت شماتیک در شکل ۱ نشان داده شده است. ۸/۷۵ گرم از نمونه کاهو وزن و به آن ۳۵ میلی لیتر از بافر شستشو (TGBE) ۱٪ بیف اکسترکت، گلایسین ۵۰ میلی مولار، تریس- اسید کلریدریک ۱۰۰ میلی مولار (pH: ۹/۵، ۰/۵ میلی مولار)، اضافه و به مدت یک ساعت بر روی شیکر با دور ۲۰۰ قرار گرفت. سپس جهت حذف گل ولای و شفاف سازی بیشتر، بافر شستشو به لوله های سانتریفوژ منتقل و به مدت نیم ساعت در ۰/۰ در دمای C ۴° سانتریفوژ گردید. محلول رویی (سوپرناتانت) به درون یک ظرف استریل منتقل و pH به ۷/۲±۰/۲ رسانده و به آن ۰/۲۵ حجم بافر به دست آمده محلول غلیظ ۵/۰٪ PEG+NaCl اضافه و به مدت ۴ ساعت در C ۴° یخچال گذاری شد. سپس به مدت ۱۵ دقیقه در ۱۰۰۰۰ g در دمای ۴°C سانتریفوژ گردید. پس از آن محلول رویی دور ریخته و رسوب حاصل در بافر فسفات حل شده و بخشی از آن جهت شمارش فاژ در آزمون کشت دو لایه و بخشی از آن جهت استخراج RNA و انجام واکنش RT-PCR مورد استفاده قرار می گیرد (روش تغییر یافته با توت، ۲۰۰۷، دابیس، ۲۰۰۲، چرر، ۲۰۱۰).

آزمون کشت دو لایه

قبل از اجرای این روش ابتدا باید کلیتی تک باکتری E.coli Famp از محیط کشت ۱/۵ TSB با اگار به درون لوله حاوی ۵ cc TSB و ۵۰ µl آنتی بیوتیک (streptomycin sulfate و ampicillin sodium salt) تلقیح شده و سپس درون اینکوباتور شیکر دار C ۳۷° به مدت ۴-۵ ساعت تا رسیدن به فاز لگاریتمی گرمخانه گذاری گردد.

دو نوع محیط کشت ۱/۵ TSB و ۰/۷٪ آگار برای این آزمون مورد نیاز است. برای انجام این آزمون ابتدا به ترتیب ۱ µl آنتی بیوتیک، ۱ µl E.coli Famp و ۱ µl از پلت محلول در بافر فسفات نهایی در هر دو روش PEG و اولتراسانتریفوژ باید به لوله حاوی ۰/۷٪ آگار اضافه شده سپس با انجام عمل ورتكس، محلول حاصل بر روی سطح پلیت حاوی محیط کشت جامد ۱/۵ TSB ۳۷° پخش گردد. سپس پلیت ها به درون اینکوباتور C ۳۷° انتقال یافته پس از بازه زمانی ۱۶-۱۴ ساعت پلاک ها قابل شمارش خواهند بود(U.S. EPA Method ۱۶۰۱، ۲۰۰۱).

استخراج RNA

جهت استخراج RNA باکتریوفاژ از کیت شرکت کیاژن طبق دستورالعمل سازنده استفاده شد.

Reverse Transcription(RT)

برای انجام واکنش رونویسی معکوس و تهیه cDNA از کیت فرمانتاز طبق دستورالعمل استفاده شد.

واکنش PCR

واکنش PCR در کیت تر Master mix Red در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر شامل ۱۲/۵ میکرولیتر بافر PCR، ۱ میکرولیتر از پرایمرهای اختصاصی باکتریوفاژ MS2، پیشرو(CTGGGCAATAGTCATAACGTTCTGACATAC) و معکوس (CGTGGATCTGACATAC) (۳۰۳۱).

(با غلظت ۵ پیکومول)، ۱ میکرولیتر آب دیونیزه استریل با برنامه دمایی مناسب در دستگاه ترموسایکلر (آلمان، Sensequest) انجام شد. در هر سری آزمایش بک کنترل منفی که در آن به جای cDNA آب اضافه می‌شد و تمام مراحل کار بر روی آن انجام می‌گرفت، گذاشته شد.

مراحل انجام ژل الکتروفورز

برای مشاهده نتایج واکنش PCR، پس از بارگذاری قطعات تکثیر یافته حاصل از PCR در ژل آگارز (۱٪) حاوی ۱٪ سایبر گرین، الکتروفورز تحت ولتاژ ۹۰ به مدت ۴۵ دقیقه انجام شد.

نتایج و بحث

در این مطالعه از روش ته نشینی پلی اتیلن گلایکول به دلیل قابلیت تکرارپذیری و ضریب بازیافت بالاتر (باتوت، ۲۰۰۷، سوما، ۲۰۱۲، روتجلس، ۲۰۰۶) در مقایسه با سایر روش‌ها به منظور شستشو و تغليظ ذرات ویروسی از سطح نمونه‌های کاهو استفاده شد. محلول نهایی به دست آمده از این روش جهت شناسایی حضور باکتریوفاژهای Male specific(F⁺)RNA، به وسیله دو آزمون پلاک و تکنیک RT-PCR آنالیز شد. در بین ۱۵ نمونه کاهو، باکتریوفاژها به وسیله هر دو روش در ۷/۳۳٪ از نمونه‌ها (۵ تا از ۱۵ نمونه) شناسایی شدند در مقابل باکتریوفاژها در هیچ یک از دو روش در ۴۵٪ از نمونه‌ها (۷ از ۱۵ نمونه) شناسایی نشدند. یک نمونه در آزمون پلاک منفی در حالی در روش RT-PCR مثبت شناسایی شدند. این نتیجه ممکن است قابلیت تکنیک RT-PCR را در شناسایی ذرات ویروسی غیر قابل کشت منعکس کند. دو نمونه در آزمون پلاک مثبت و در مقابل در روش RT-PCR منفی در نظر گرفته شدند که این نشان می‌دهد با کاهش سطح کلی فاز در محلول، حساسیت این روش جهت شناسایی کاهش می‌یابد (جدول ۱). این نتیجه با نتایج رز و همکاران (۱۹۹۷) همخوانی دارد. نمونه‌های منفی در روش RT-PCR ممکن است در اثر وجود بازدارنده‌ها بوده که با تغليظ محلول نهایی غلظت آن‌ها افزایش یافته و منجر به نتایج منفی غلط شده است. به طور کلی هماهنگی و توافق کاملی بین نتایج دو روش مشاهده شد. اختلاف در نتایج ممکن است ناشی از حساسیت، اختصاصی و یا بازدارندگی RT-PCR در نمونه‌های کاهو باشد (رز و همکاران ۱۹۹۷).

نتیجه گیری کلی

آلودگی باکتریوفاژی نمونه‌های کاهو نشان دهنده تماس آن‌ها با مدفوع انسانی/ حیوانی یا استفاده از کود‌های آلوده در طول داشت و همچنین توزیع نامناسب این محصول توسط افراد آلوده و تحت شرایط بهداشتی ضعیف می‌باشد. امروزه شناسایی ویروس‌ها در مواد غذایی به دلیل سطوح پایین آلودگی تبدیل به یک چالش شده است. در مطالعه حاضر روش RT-PCR و مبتنی بر کشت (آزمون پلاک) جهت شناسایی باکتریوفاژهای RNA (F⁺)RNA از سطح نمونه‌های کاهو، مورد مقایسه قرار گرفتند. تکنیک‌های مولکولی در مقایسه با روش‌های مبتنی بر کشت دارای مزایای زیر می‌باشد:

- I روش RT-PCR برای شناسایی باکتریوفاژهای RNA (F⁺) در ۶ ساعت انجام می‌شود در حالی که آزمون پلاک به ۲۴ ساعت زمان و نیز رشد و بقای باکتری میزان نیازمند است
- II تعداد زیادی از باکتریوفاژهای RNA (F⁺) قابل کشت نیستند و توسط آزمون پلاک شناسایی نمی‌شوند
- III میزان استفاده شده در آزمون پلاک علاوه بر باکتریوفاژهای RNA (F⁺)، کلی فاژهای سوماتیک را نیز شناسایی می‌کند در حالی که استفاده از پرایمرهای اختصاصی در روش RT-PCR فقط باکتریوفاژهای RNA (F⁺) را شناسایی می‌کند

معایب تکنیک‌های مولکولی نیز عبارتند از:

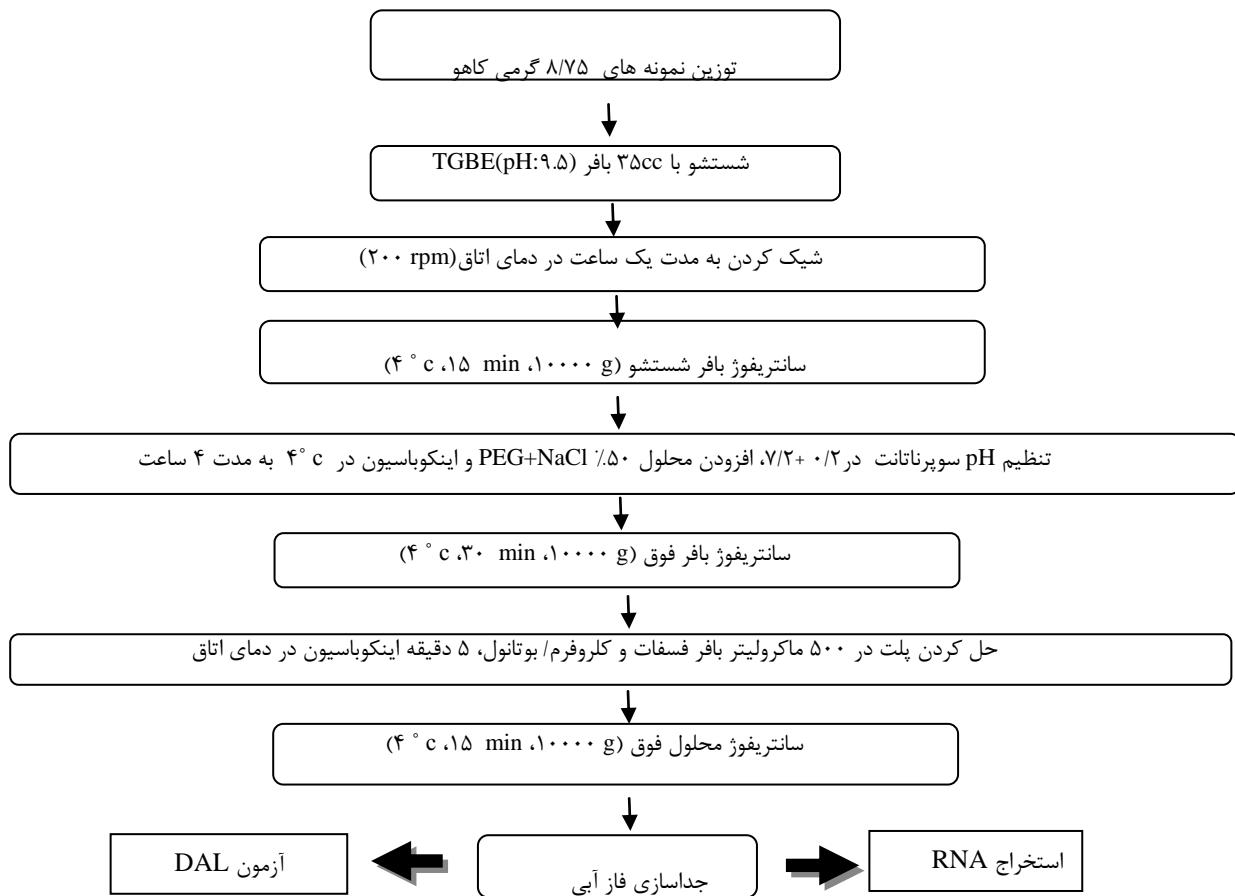
- I وجود بازدارنده PCR که می‌تواند در واکنش مداخله کند
- II با کاهش سطح کلی فاز در محلول، حساسیت این روش جهت شناسایی کاهش می‌یابد

در تحقیق انجام شده هماهنگی و توافق کاملی بین نتایج دو روش مشاهده شد ولی از آن جاییکه روش RT-PCR نیازمند صرف زمان کمتر، سهولت انجام و نیز دارای قابلیت شناسایی باکتریوفاژهای غیر قابل کشت بوده، بر روش‌های مبتنی بر کشت ترجیح داده می‌شود.



منابع

۱. Butot, S, Putallaz, T, Sánchez, G, ۲۰۰۷, Procedure for rapid concentration and detection of enteric viruses from berries and vegetables, *Journal of Applied and Environment Microbiology*, ۷۳, ۱۸۶-۱۹۲.
۲. Dubois, E, Agier, C, Traore', O, Hennechart, C, Merle, G, Crucie're, C, Laveran, H, ۲۰۰۲, Modified concentration method for the detection of enteric viruses on fruits and vegetables by reverse transcriptase polymerase chain reaction or cell culture, *Journal of Food Protection*, 65(12), 1962-1969.
۳. Croci,L, Dubois,E, Cook,N, Medici,D, Rutjes,S,A, Hoorfar,J,Van der Poel,W, ۲۰۰۸, Current Methods for Extraction and Concentration of Enteric Viruses from Fresh Fruit and Vegetables: Towards International Standards. *Journal of Food Analytical Methods*, 1, ۷۳-۸۴.
۴. Dore',W, Wood,K,H, Lees,D, ۲۰۰۷, Evaluation of F-Specific RNA Bacteriophage as a Candidate Human Enteric Virus Indicator for Bivalve Molluscan Shellfish, *Journal of Applied And Environmental Microbiology*, 183(2):154-60.
۵. Grabow,W, Very,A,Uys, M, De Villiers,JC, ۱۹۹۸, Evaluation of the application of bacteriophages as indicators of water quality, *Journal of Water Research Commission*, Pretoria, ۵۵ pp.
۶. Hedberg ,C,W, MacDonald, K,L, Osterholm M,T, ۱۹۹۴, Changing epidemiology of food-borne disease: a Minnesota perspective, *Journal of Clinical Infective Disease*, 18:671-682.
۷. Mbithi, J, Springthorpe, V, Boulet, J, Sattar, S, ۱۹۹۲, Survival of hepatitis A virus on human hands and its transfer on contact with animate and inanimate surfaces, *Journal of Clinical Microbiology* , ۳۰ (۴), 757-763.
۸. Rutjes,S, Verschoor,F, Van Der Poel,W, Duijnhoven,Y, Husman,M, ۲۰۰۶, Detection of Noroviruses in Foods: A Study on Virus Extraction Procedures in Foods Implicated in Outbreaks of Human Gastroenteritis, *Journal of Food Protection*, 69, 1949-1956
۹. Sanchez,G,Elizaquivel,P,Aznar,R, ۲۰۱۲, A single method for recovery and concentration of enteric viruses and bacteria from fresh-cut vegetables, *International journal of food microbiology* 152:9-12.
۱۰. Rose, J, Zhou, X, Griffin, D , Paul, J, ۱۹۹۷, Comparison of PCR and Plaque Assay for Detection and Enumeration of Coliphage in Polluted Marine Waters, *Journal of Applied and Environmental Microbiology*, 63(11): 4564-4566
۱۱. Scherer,K, Johneb,R, Schrader, C, Ellerbroekb,L, Schulenburgc,J, Kleina,G, ۲۰۱۰, Comparison of two extraction methods for viruses in food and application in a norovirus gastroenteritis outbreak, *Journal of Virological Methods*, 169 : ۲۲-۲۷.
۱۲. Summa,M, Bonsdorff,C, Maunula,L, ۲۰۱۲, Evaluation of four virus recovery methods for detecting noroviruses on fresh lettuce, sliced ham, and frozen raspberries, *Journal of Virological Methods*, 118: 1-7
۱۳. U S. EPA, Methods 16.1, Male-specific (F+) and Somatic Coliphage in Water by Two- single Enrichment Procedure, Washington, DC: Office of Water, U.S, Environmental Protection Agency
۱۴. Ward, B,K, Chenoweth, C,M, Irving, L,G, ۱۹۸۲, Recovery of viruses from vegetable surfaces, *Applied and Environmental Microbiology*, 44 (8): 1289-1294.





جدول ۱- اختلاف نتایج در شناسایی باکتریوفاز Male specific(F⁺)RNA به وسیله آزمون پلاک و RT-PCR

RT-PCR	نتایج	شماره نمونه
	آزمون پلاک (pfu/۸/۷۵g)	
+	۴	۱
+	۳	۲
-	.	۳
-	.	۴
+	۱۰	۵
-	.	۶
+	۵	۷
+	۶	۸
-	.	۹
-	.	۱۰
-	۶	۱۱
-	.	۱۲
+	.	۱۳
-	.	۱۴
-	۲	۱۵