گزارشی از سویه جدید ویروس ایرانی پیچیدگی بوته چغندرقند در استان خراسان رضوی

سارا قارونی کاردانی۱، جهانگیر حیدرنژاد۲ و محمد زکی عقل۱

۱ – گروه گیاهپزشکی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد ۲ saragharooni@yahoo.com – گروه گیاهپزشکی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید باهنر کرمان

ویروس ایرانی پیچیدگی بوته چغندرقند (Beet curly top Iran virus, BCTIV) یکی از جمینی ویروس های منحصر به فرد در ایران است. این ویروس متعلق به جنس تازه تاسیس βΕσιπινίτιααε الهورس و اله الهورس متعلق به جنس تازه تاسیس βΕσιπινίτιααε الهورس و الهورس متعلق به عندر در طی فصل زراعی ۹۲-۹۱ به منظور بررسی تنوع ژنتیکی نمونه برداری از بوته های چغندرقند با علائم پیچیدگی برگاز مناطق مختلف استان خراسان رضوی انجام شد. استخراج دی اِن اِی با کمک بافر و الورس الوردن طول واحد ژنوم ویروس، مولکول های تکثیر شدهبا آنزیمهای برشی المناده از روش داری غذر و آن اِی بای مراز تکثیر گردید. به منظور بدست آوردن طول واحد ژنوم ویروس، مولکول های تکثیر شدهبا آنزیمهای برشی سایر جدایه هاکاملا متفاوت بود. ابتدا ژنوم دو جدایه مذکور در ناقل ρΤΖ57 وارد و در سویه β DH5α باکتری و جدایه با یکدیگر ۹۹ درصد و با تعیین ترادف شدند. نتایج مقایسه ترادف نوکلئوتیدی ژنوم این دو جدایه با نمونه های موجود در بانک ژن نشان داد این دو جدایه با یکدیگر ۹۹ درصد و با سایر جدایه ها تنها ۸- ۸۵ درصد شباهت دارند. بیشترین تفاوت در ناحیه بین ژنی بزرگ (LIR) با ۲۷–۱۲ درصد تفاوت نسبت به سایر جدایه ها وجود داشت. میزان شباهت با سایر جدایه ها در سایر چارچوبهای ژنی ۴۹–۸۲ درصد بود. با توجه به معیار های ۱۵۲۲۷ در طبقه بندی ویروس های جنس داشت. میزان شباهت با سایر جدایه ها در تحقیق حاضر، سویه جدیدی از βΕσιτιονίνιος میروس می گردند.

Report of a new strain of Beet curly top Iran virus in Khorasan Razavi province

S. Gharouni-Kardani¹, J. Heydarnejad² and M. Zakiaghl¹

- 1- Department of Plant Protection, College of Agriculture, Ferdowsi University of Mashhad. saragharooni@yahoo.com
- $\hbox{\it 2-Department of Plant Protection, College of Agriculture, ShahidBahonar University of Kerman}$

Beet curly top Iran virus (BCTIV) is a unique geminivirus reported from Iran and a member of the newly established genus Becurtovirus in the family Geminiviridae. This virus is a relatively variable virus and comprises several strains. In order to study the diversity of BCTIV, sugarbeet (Beta vulgaris) samples with curly top symptoms were collected from different parts of Khorasan Razavi provinceduring the growing season 2011-2012. Total DNAwad extracted by CTAB method and subjected to rolling circle amplification using phi DNA polymerase. Amplicons were digested with EcoRI, PstI, KpnIandHindIII restriction endonucleases to yield unit length viral genome. Two BCTIV isolates collected from Chenaran and Fariman, showed different electrophoretic pattern in RFLP analysis. These isolates were ligated into the pTZ57R plasmid followed by transformation to DH5αstrain of Escherichia coli. Sequencing results showed that the full-length genome of these isolates have 99and 85-87% identities to each other and with other BCTIV genome deposited in the GenBank, respectively. Large intergenic region (LIR) was the most divergent region (13-27%) in the genome. The amount of identities in other ORFs was 82-94%. Based on the ICTV criteria, these isolates could be a new strain of BCTIV.